

2014 作物生物信息学 workshop 日程

2014 年 8 月 16 日

时间	题目	报告人
8:30	开幕	
8:40-9:05	Construction of Maize haplotype maps-genotyping of 1000 maize lines with whole genome shotgun sequencing	Qi Sun Cornell University
9:05-9:30	植物转录因子数据库及其应用	罗静初 北京大学
9:30-9:55	Identification and Characterization of Open Chromatin in Plant Genomes	吴玉峰 南京农业大学
休息		
10:10-10:35	水稻大生物网络的构建	陈铭 浙江大学
10:35-11:00	植物免疫相关的生物信息学分析	张子丁 中国农业大学
11:00-11:25	A new genome-wide association study approach	章元明 南京农业大学
11:25-11:50	Towards to genomic selection in <i>jatropha</i> and rice breeding	王春明 南京农业大学
休息		
14:00-14:25	Application of bioinformatics on plant non-coding RNA researches	王秀杰 中科院遗传发育所
14:25-14:50	非生物胁迫下的小分子 RNA 调控网络	黄骥 南京农业大学
14:50-15:15	Using genotyping-by-sequencing platform for grape vine breeding	Qi Sun, Cornell University
休息		
15:25-15:50	Transition of euchromatin into heterochromatin in the <i>Oryza</i> genomes	陈明生 中科院遗传发育所
15:50-16:15	小麦多倍化中的基因调控模式	毛龙 中国农科院作物所
16:15-16:40	小麦 <i>JRL</i> 和 <i>DIR</i> 基因的发掘与分析	贾海燕 南京农业大学
16:50-18:00	研讨会	