

代表性成果登记表

学校： 南京农业大学

学院(部门):

农学院

姓名	肖进	性别	男	出生年月	1983-06	学历	博士研究生毕业		现聘职务	副教授		聘任时间	2016-12
申报职务	教授(教学科研型)	二级学科	作物遗传育种			研究方向		麦类作物基因组和育种学				是否破格	否
成果名称	材料名称					类型	排名/总人数 共一, 通讯	期刊名称/出版单位/ 授予单位		年份	论文相关情况		
代表性成果1: 克隆了小麦长颖/长粒P1基因, 揭示其分子机理及进化, 为P1基因的育种利用打下坚实的理论基础	A natural variation of an SVP MADS-box transcription factor in Triticum petropavlovskyi leads to its ectopic expression and contributes to elongated glume					论文	1/16	Molecular Plant		2021	JCR Q1 / A(自然科学)		
代表性成果2: 克隆了Rht23, 揭示小麦驯化基因Q调控穗部发育的遗传调控机理	Rht23 (5Dq') likely encodes a Q homeologue with pleiotropic effects on plant height and spike compactness					论文	2/11 共一	THEORETICAL AND APPLIED GENETICS		2018	JCR Q1 / A(自然科学)		

代表性成果3: 鉴定了与抗白粉病基因CMPG-V1蛋白互作的重要基因EX070E1-V, 为解析CMPG-V1的抗病机理提供重要的线索	The Exocyst Complex Subunit EX070E1-V From Haynaldia villosa Interacts With Wheat Powdery Mildew Resistance Gene CMPG1-V	论文	10/10*	Frontiers in Plant Science	2021	JCR Q1 / A(自然科学)
代表性成果4: 解析了簇毛麦6VS染色体的序列和结构特征, 高通量开发了6VS特异分子标记并绘制物理图谱, 为发掘和克隆6VS上的优异基因提供重要的遗传信息	Targeted Sequencing of the Short Arm of Chromosome 6V of a Wheat Relative Haynaldia villosa for Marker Development and Gene Mining	论文	11/12*	Agronomy-Basel	2021	JCR Q1 / A(自然科学)
代表性成果5: 解析簇毛麦4VS染色体的序列和结构特征, 为发掘和克隆4VS上优异基因提供重要的遗传信息	Sequencing flow-sorted short arm of Haynaldia villosa chromosome 4V provides insights into its molecular structure and virtual gene order	论文	1/14	BMC GENOMICS	2017	JCR Q2 / A(自然科学)
学院审核意见, 是否同意送审		个人签字: _____ 学院负责人签字 (盖公章): _____				

成果名称: 举例:的研究; 发现.....新机理; 揭示.....新机制。
 材料名称: 论文、著作、奖项等名称。

年 月 日

