

# 代表性成果登记表

学校： 南京农业大学

学院(部门):

农学院

姓名	贺建波	性别	男	出生年月	1985-04	学历	博士研究生毕业	现聘职务	讲师（高校）	聘任时间	2021-12
申报职务	副教授(教学科研型)	二级学科	作物遗传育种			研究方向	统计遗传			是否破格	否
成果名称	材料名称					类型	排名/总人数 共一, 通讯	期刊名称/出版单位/ 授予单位	年份	论文相关情况	
代表性成果1: 建立限制性两阶段多位点全基因组关联分析（RTM-GWAS）新方法	An innovative procedure of genome-wide association analysis fits studies on germplasm population and plant breeding					论文	1/12 共一	THEORETICAL AND APPLIED GENETICS	2017	JCR Q1 / A(自然科学)	
	一种基于SNPLDB标记的限制性二阶段全基因组关联分析方法					专利	2/5		2017	/	
代表性成果2: RTM-GWAS方法的遗传育种应用研究	QTL-allele matrix detected from RTM-GWAS is a powerful tool for studies in genetics, evolution, and breeding by design of crops					论文	1/2	JOURNAL OF INTEGRATIVE AGRICULTURE	2020	JCR Q1 / A(自然科学)	
	Detecting the QTL-allele system of seed oil traits using multi-locus genome-wide association analysis for population characterization and optimal cross prediction in soybean					论文	2/10 共一	FRONTIERS IN PLANT SCIENCE	2018	JCR Q1 / A(自然科学)	
学院审核意见，是否同意送审			个人签字：         学院负责人签字（盖公章）：         年 月 日								

成果名称：举例：……的研究；发现……新机理；揭示……新机制。

材料名称：论文、著作、奖项等名称。

